

ゲノム科学と医療



油谷研究室 (ゲノムサイエンス)

<https://www.genome.rcast.u-tokyo.ac.jp/en/>

ヒトゲノム全塩基配列が決定され、個人間に予想以上の多様性が存在することがわかってきました。ゲノムからの遺伝情報の読み出しにはDNAメチル化やヒストン修飾などの「エピゲノム」という修飾情報が重要な役割を果たしており、細胞の種類ごとにその制御が異なっています。高速並列シーケンサーなど最新の解析技術による、医療応用を目指したゲノム・エピゲノム解析の成果を展示します。

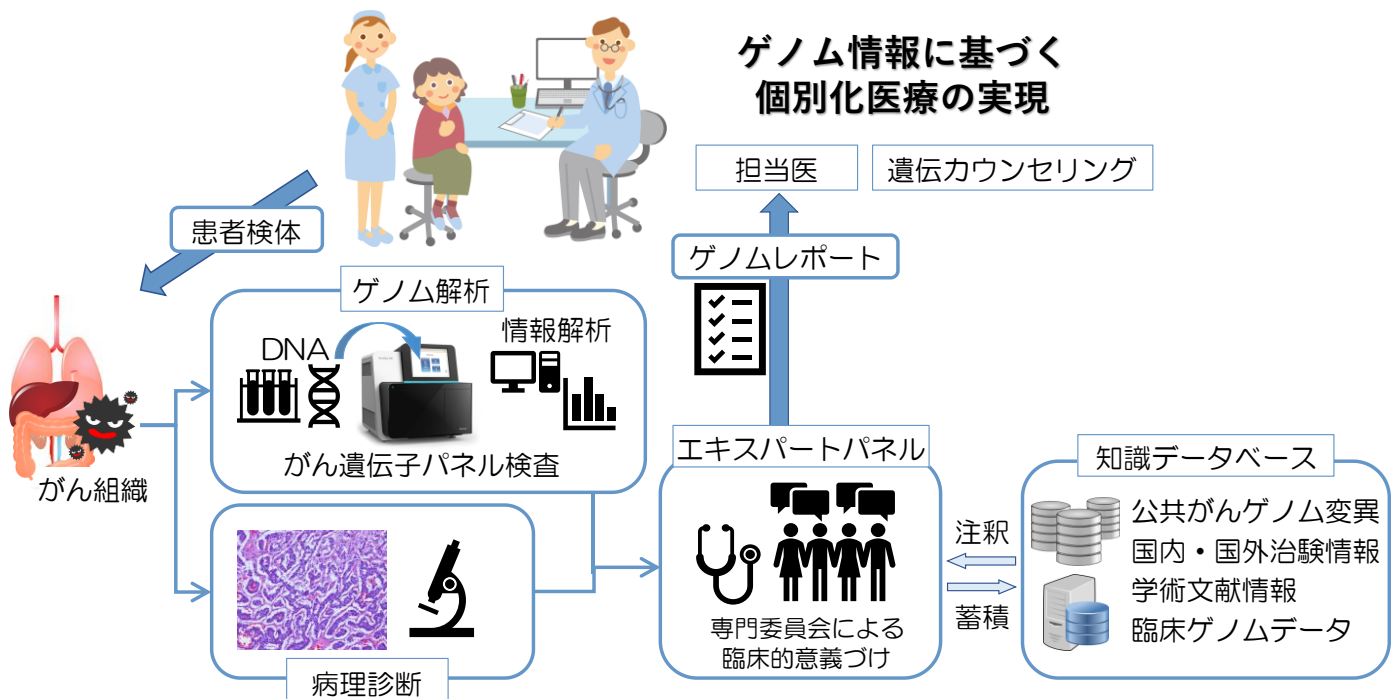


図. がんゲノム解析に基づく個別化医療(クリニカルシーケンス)